



DT9373

**LEUCÉMIE MYÉLOÏDE CHRONIQUE
BIOMARQUEURS**
Version 1.0.0.1

Date de naissance	N° chambre	N° de dossier	
Nom			
Prénom			
N° d'assurance maladie			
Adresse			
Code postal	Ind. rég.	Téléphone	Sexe <input type="checkbox"/> M <input type="checkbox"/> F

N° de rapport	
---------------	--

<input type="checkbox"/> + Résultats Page 1	<input type="checkbox"/> + Méthodes Page 3
--	---

Les éléments de données précédés de ce symbole « + » ne sont pas obligatoires. Toutefois, ils peuvent être cliniquement importants quoique non encore validés ou utilisés régulièrement dans la prise en charge des usagers.

Sélectionner un seul élément, sauf indication contraire.

Note : L'utilisation de cette fiche synoptique est optionnelle.

+ Type de spécimen
+ <input type="checkbox"/> Sang périphérique
+ <input type="checkbox"/> Moelle osseuse
+ <input type="checkbox"/> Autre (préciser) : _____

Note : Si un marqueur est testé par plus d'une méthode (par exemple, PCR et immunohistochimie), rapporter le(s) résultat(s) et méthode(s) supplémentaire(s) dans la section "Commentaire(s)" du rapport.

+ RÉSULTATS
+ Résultats de tests cytogénétiques (caryotype) (sélectionner tous les éléments applicables)
+ <input type="checkbox"/> Pas d'anomalie détectée
+ <input type="checkbox"/> t(9;22)(q34;q11.2); BCR-ABL1 (chromosome Philadelphie [Ph]) détecté + Nombre total de métaphases examinées : _____ + Nombre de métaphases Ph+ : _____
+ <input type="checkbox"/> Autres anomalies détectées (préciser) : _____
+ T Tests BCR-ABL1 par Hybridation In Situ en Fluorescence (FISH) (sélectionner tous les éléments applicables)
+ <input type="checkbox"/> Pas de fusion <i>BCR-ABL1</i> détectée
+ <input type="checkbox"/> Fusion <i>BCR-ABL1</i> détectée + Nombre total de cellules examinées : _____ + Nombre de cellules positives pour le gène de fusion <i>BCR-ABL1</i> : _____
+ <input type="checkbox"/> Amplification (duplication) <i>BCR-ABL1</i> détectée (copies/cellules) : _____

+ Quantification de transcrits *BCR-ABL1* par transcription inverse-Réaction en Chaîne de la Polymérase (RT-PCR) (sélectionner tous les éléments applicables)

- + Pas de transcrit *BCR-ABL1* détecté
- + *BCR-ABL1*, transcrits de type p210 (e13/14a2) détectés
 + Nombre de copies normalisées (transcrits e13/14a2/gène de référence) : _____
 + Pourcentage *BCR-ABL1* (Échelle internationale [IS]) : _____ %
- + *BCR-ABL1*, transcrits de type p190 (e1a2) détecté
 + Nombre de copies normalisées (transcrits e1a2/gène de référence) : _____
- + Autres transcrits *BCR-ABL1* détectés (p. ex. : E19a2; type p230)
 + (préciser) : _____
 + Nombre de copies normalisées (autres transcrits *BCR-ABL1*/gène de référence) : _____

+ Analyses de mutation *BCR-ABL1*

- + Aucune mutation détectée
- + Mutation(s) détectée(s)
 + Mutation p.T315I
 + Autre (préciser) : _____
- + Signification de la mutation
 + Résistance aux inhibiteurs de la tyrosine kinase (TKIs) est rapportée
 + Profil de résistance inconnu
 + Variante de séquence normale et/ou pas de résistance associée

+ Comparaison à des études antérieures

- + Date de l'étude cytogénétique la plus récente : _____
- + Résultats de tests cytogénétiques les plus récents (sélectionner tous les éléments applicables) :
 + Aucune anomalie détectée
 + t(9;22)(q34;q11.2); *BCR-ABL1* (Chromosome Philadelphie [Ph]) détecté
 + Nombre total de métaphases examinées : _____
 + Nombre de métaphases Ph+ : _____
 + Autre anomalie détectée (préciser) : _____
- + Date de l'étude FISH la plus récente : _____
- + Résultats du FISH le plus récent (sélectionner tous les éléments applicables) :
 + Pas de fusion *BCR-ABL1* détectée
 + Fusion *BCR-ABL1* détectée
 + Nombre total de cellules examinées : _____
 + Nombre de cellules *BCR-ABL1* positives : _____
 + Amplification (duplication) *BCR-ABL1* détectée (copies/cellules) : _____
- + Date de l'étude quantitative par RT-PCR de *BCR-ABL1* la plus récente : _____
- + Résultats de l'étude quantitative par RT-PCR de *BCR-ABL1* la plus récente (sélectionner tous les éléments applicables) :
 + Pas de transcrit *BCR-ABL1* détecté
 + Transcrits *BCR-ABL1* (e13/14a2, type p210) détectés
 + Nombre de copies normalisées e13/14a2 : _____
 + Pourcentage *BCR-ABL1* (Échelle internationale [IS]) : _____ %
 + Transcrits *BCR-ABL1* (e1a2, type p190) détectés
 + Nombre de copies normalisées e1a2 : _____
 + Autres transcrits *BCR-ABL1* détectés (préciser le type) : _____
 + Nombre de copies normalisées : _____

